


```
}
    td.err {
        background-color: #e992b9;
        color: #fff;
        font-size: 0.75em;
        text-align: center;
        line-height: 1;
    }
th {
    background-color: #31bc86;
    font-weight: bold;
    color: #fff;
    white-space: nowrap;
}
tbody th {
    background-color: #496C90;
}
tbody tr:nth-child(2n-1) {
    background-color: #f5f5f5;
    transition: all .125s ease-in-out;
}
tbody tr:hover {
    background-color: rgba(129,208,177,.3);
}

.foo {
    display: inline-block;
    width: 10px;
    height: 10px;
    margin: 5px 5px 0 5px;
    border-width: 1px;
    border-style: solid;
}
```

JS:

```
var f1 = "https://www.google.com/maps/d/embed?mid=zajizRXubkHo.kxgJkEW-
Fh2k";
```

```
$(window).load(function() {
    $.ajax({
        type: 'GET',
        url: 'json/best_sequences.json',
        dataType: 'json',
        success: function(json) {
            var cad = [];
            var j = 0;
            cad[0] = '<tr><th> ID </th>'+<th> Secuencia Frecuente </th>' +
'<th> Soporte </th></tr>';
            for (var i = 0; i < json.length; i++) {
                cad[++j] = '<tr>';
                cad[++j] = '<td>'+json[i].id+'</td>';
                cad[++j] = '<td>'+buildSequence(json[i])+</td>';
                cad[++j] = '<td>'+json[i].support+'</td>';
                cad[++j] = '</tr>';
            }
            $('#tb_sequences').html(cad.join(""));
        },
        error: function(data, status, error) {
            console.log(data);
            console.log(status + ' ' + error);
        }
    });
});
```

```
function buildSequence(object){
    var timeSeparator = '&#8594 ';
    var propertySeparator = ' ';
    var cad = "";
    for(var i = 0; i < object.itemsets.length; i++){
        for(var j = 0; j < object.itemsets[i].items.length; j++){
            if(object.itemsets[i].items[j].sufferedchange){
                var color;
```

```

        color = getColor(object.itemsets[i].items[j].property);
        cad += '<font color="'+color+'">';
        cad += object.itemsets[i].items[j].property;
        cad += '</font>'
    }
    else{
        cad += object.itemsets[i].items[j].property;
    }
    cad += propertySeparator;
}
if(i!=object.itemsets.length-1)
    cad += timeSeparator;
}
return cad;
}

function getColor(item){
    var color;
    var object = item.split("_");
    switch(object[0]){
        case "temp":
            color = "4169E1";
            break;
        case "ss":
            color = "00CD00";
            break;
        case "ph":
            color = "FF6103";
            break;
        case "bod":
            color = "8E388E";
            break;
    }
    return color;
}

$('#tb_sequences').click(function(e) {

```

```

$.ajax({
    type: 'GET',
    url: 'json/best_sequences.json',
    dataType: 'json',
    /*async: false,*/
    success: function(json) {
        var id;
        id = getSequenceID(e);
        if(id!=0){
            foundJson = findSequence(id,json);
            var cad = '<iframe src="' +
                foundJson.urlKml +
                '" width="50%" height="480px"></iframe>';
            $('#map').html(cad);
            console.log(cad);
        }
    },
    error: function(data, status, error) {
        console.log(data);
        console.log(status + ' ' + error);
    }
});

```

```

function getSequenceID(e){
    e = e || window.event;
    var data = [];
    var target = e.target;
    while (target && target.nodeName !== "TR") {
        target = target.parentNode;
    }
    if (target) {
        var cells = target.getElementsByTagName("td");
        return cells[0].innerHTML;
    }
    else{

```

```

    alert('Error al buscar el ID de secuencia, seleccione una fila');
    return 0;
  }
}

```

```

function findSequence(id,json){
    for (var i = 0; i < json.length; i++) {
        if(json[i].id == id){
            return json[i];
        }
    }
    alert('Error al buscar json')
    return [];
}

```

HTML:

```

<!DOCTYPE html>
<html>
  <head>
    <title>UK Rivers</title>
    <meta name="viewport" content="initial-scale=1.0">
    <meta charset="utf-8">
    <script src="js/jquery-1.11.3.js"></script>
    <link rel="stylesheet" type="text/css" href="css/styles.css">
  </head>
  <body>
    <header id="titulo">
      
      <h1>Extracción de patrones secuenciales para la caracterización de fenómenos
espacio-temporales</h1>
    </header>
    <section>
      <p>La siguiente tabla muestra las diez mejores secuencias frecuentes extraidas
de la base de datos del fenómeno de <strong><u>contaminación de ríos del Reino
Unido</u></strong>, luego de haber utilizado el <strong><font
color="00BFFF"><u>algoritmo de patrones secuenciales

```


PrefixSpan</u> con <u>soporte minimal igual a 16</u>. De esta manera, es posible ubicar en qué ríos ocurrieron cada una de estas secuencias, para ello se debe seleccionar alguna de las secuencias frecuentes mostradas. Las diez mejores secuencias son aquellas que poseen la mayor cantidad de cambios en el tiempo.</p>

</section>

<section>

<h2>Leyenda de características

<div class="foo" style="background-color:#4169E1;"></div>temp: Temperatura

<div class="foo" style="background-color:#00CD00;"></div>ss: Restos Sólidos

<div class="foo" style="background-color:#FF6103;"></div>ph: Nivel de Acidez

<div class="foo" style="background-color:#8E388E;"></div>bod: Demanda de

Oxígeno Biológico</h2>

</section>

<section id="wrapper">

<div id="map">

<iframe

src="https://www.google.com/maps/d/embed?mid=zajizRXubkHo.kXuvvMSTyigw"

width="50%" height="480px"></iframe>

</div>

<div id="table">

<table id="tb_sequences">

<th>ID</th>

<th>Secuencias frecuentes</th>

<th>Soporte</th>

</table>

</div>

</section>

<footer>

<h2>Elaborado por : Rodrigo Ricardo Maldonado Cadenillas

Proyecto de fin de carrera (2015)</h2>

</footer>

<script src="js/script.js"></script>

</body>

</html>